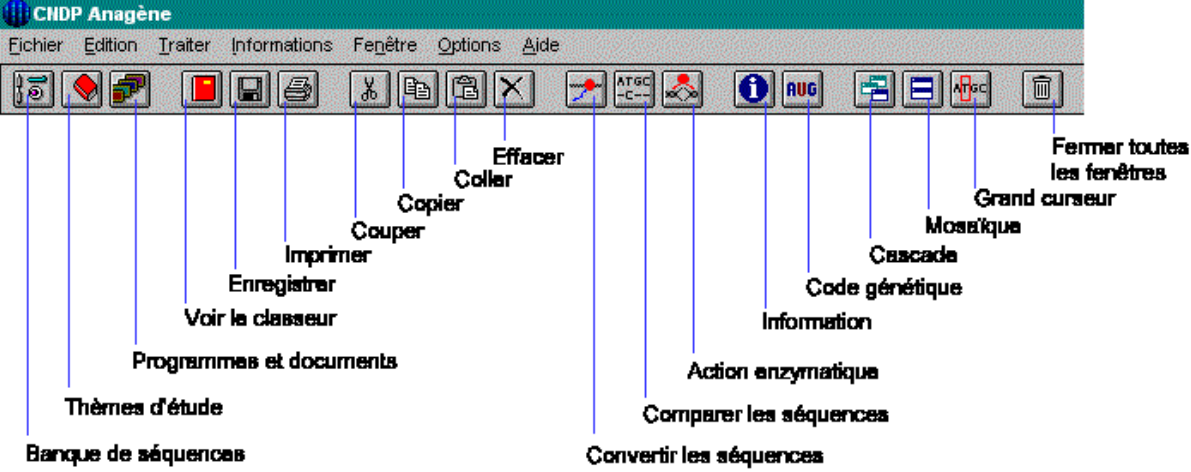


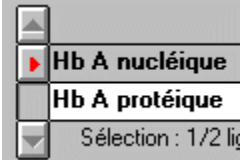


## COMPARAISON - CONVERSION AVEC ANAGENE

Les icônes de la barre d'outils		Numérotation des éléments d'une séquence	
			Echelle de repérage des nucléotides
			Echelle de repérage des acides aminés Attention au décalage des numéros
		Cliquer sur l'échelle pour passer de l'échelle des nucléotides à celle des acides aminés.	
		<b>Utiliser le curseur</b>	
		Surligner pour sélectionner la partie de la séquence choisie. Cliquer sur l'icône « grand curseur ».	
		<b>Bulles d'aide</b>	
		Une bulle d'aide s'affiche sur l'objet pointé par le curseur de la souris	
Editer une séquence		Sélectionner une séquence	
<p><b>Sélectionner</b> cette séquence dans l'un des répertoires d'Anagène :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>•Banque de séquences</li> <li>•Thèmes d'étude</li> <li>•Programmes et documents</li> </ul> ou par «Fichier / Ouvrir / sauve»			<p><b>Cliquer</b> sur le bouton de sélection. La séquence sélectionnée s'inscrit sur fond blanc. On peut sélectionner plusieurs séquences. La flèche rouge indique la ligne pointée, sur laquelle il est possible d'obtenir des informations et que l'on peut déplacer à l'aide des flèches grises, haut - bas.</p>
Convertir une séquence		Comparer des séquences	
Menu «traiter / convertir ces séquences». Pour <b>traiter</b> une séquence, elle doit être au préalable sélectionnée.		<b>ATTENTION : pour comparer, la séquence de référence est toujours celle qui est placée en premier.</b>	
<b>Informations sur la ou les séquence(s) sélectionnée(s)</b>		Menu «traiter / comparer les séquences» ou «convertir ces séquences».	
Menu «informations / sur la ligne pointée» pour obtenir des informations sur la sélection : soit d'une ligne, soit de toutes les lignes en cliquant d'abord devant « traitement ».		Pour <b>traiter</b> une séquence, elle doit être au préalable sélectionnée.	
<i>Attention : les pourcentages obtenus portent soit sur des différences soit sur des ressemblances.</i>		La comparaison des séquences ne peut se faire que sur des séquences de même nature. Les flèches grises haut-bas permettent de <b>placer</b> la séquence de référence.	
<b>Créer des séquences</b>		Deux comparaisons possibles :	
Menu «Fichier / créer». <b>Choisir</b> le type de séquence et le <b>nommer</b> . <b>Taper</b> ou <b>choisir</b> dans la fenêtre d'«édition de séquences», votre séquence.		<ul style="list-style-type: none"> <li>•<u>La comparaison par alignement</u> permet de comparer avec discontinuité, en éliminant les décalages résultant de délétion(s) ou d'insertion(s), les valeurs affichées sont des ressemblances (identités),</li> <li>•<u>La comparaison simple</u> permet de comparer point par point des séquences sans aucun alignement, les valeurs affichées sont des différences.</li> </ul>	